

Stempelbereich (Freigabestempel, Eingangsstempel)

Zuweisende Stelle (bitte **Stempel**, alternativ Druckschrift)

Name/Klinik:
Abteilung:
Ort:
Telefon:

Kostenträger:

Zuweisende Stelle Patient*in / Sonstiges (Kostenübernahmeerklärung)

Zuweisende Ärzt*in

Name:
Telefon:
E-Mail:

Angaben zur Patient*in (bitte **Etikett**, alternativ Druckschrift)

Nachname:
Vorname:
Biologisches Geschlecht: W M SVNR/Geburtsdatum: SVNR / tt mm jjjj
Studie: Studiennr.:
EUPID:

Zuweisungsgrund / Indikation

- Verdachtsdiagnose Neuroblastom Rhabdomyosarkom Ewing-Sarkom
 Erstdiagnose Nephroblastom (Wilms-Tumor) Osteosarkom
 Verlauf Rezidiv

Anmerkungen zur Diagnose:

.....
.....

Material

Abnahmedatum: tt mm jjjj
Abnahmezeit: hh : mm

Anmerkungen zum Material :

Gewebe

Primärtumor Metastase

Nativ
 Gefroren
 Tupfpräparate
 Paraffinmaterial
Histo-Nr.
Tumorzellgehalt %

Lokalisation / Anmerkungen (z.B. bei mehreren Tumorstücken):
.....
.....

Knochenmark

EDTA
 Zytospinpräparate
 PAXgene (bitte bei uns anfordern)

Rechts hinten
 Rechts vorne
 Links hinten
 Links vorne
 Lokalisation

Peripheres Blut

EDTA
 PAXgene (bitte bei uns anfordern)

Aphereseprodukt*

EDTA

*Bitte auch peripheres Blut vor und nach der Apherese schicken

Körperflüssigkeiten

Aszites
 Liquor
 Pleuraerguss

Sonstiges Material

.....

Molekulargenetische und Immunzytologische Untersuchungen

Neuroblastom

- MYCN Amplifikation (FISH)
 ALK Amplifikation / Rearrangement (Break apart FISH)
 ALK Mutationen (ddPCR, Sequenzierung)
 Segmentale und numerische Chromosomen-Aberrationen (SCAs & NCAs) (SNP-Array)

- Knochenmark Infiltration / Minimal residual disease (MRD) (GD2/CD56 Färbung)

Rhabdomyosarkom

- FOXO1 (FKHR) Rearrangement / Fusion mit:
 PAX3 (FISH, PCR)
 PAX7 (FISH, PCR)
 Seltenerer FOXO1 oder PAX3 Rearrangements (Break apart FISH)
 Genomweites Profil (CN/LOH) (SNP-Array)

- Knochenmark Infiltration / Minimal residual disease (MRD) (Desmin Färbung)

Ewing-Sarkom

- EWSR1 Rearrangement / Fusion mit:
 FLI1 (FISH, PCR)
 ERG (FISH, PCR)
 Seltenerer EWSR1 Rearrangements (Break apart FISH)
 Genomweites Profil (CN/LOH) (SNP-Array)

Nephroblastom (Wilms-Tumor)

- 1q Zugewinn (FISH)
 Genomweites Profil (CN/LOH) (SNP-Array)

Osteosarkom

- Genomweites Profil (CN/LOH) (SNP-Array)

Sonstige Untersuchungen

-

